


```

Db      2041  ACTGAGCCAAAGCTATCGAAGGCTATACGTTAAACAATACACCGGTAATGCAACCGC 2100
Qy      2153  ACTTTACACGACGAGCAGCAACCGTGACATATGTTATCTAATAAACHATCGAAGCAGCA 2212
Db      2101  ACTTTACACGACGAGCAGCAACCGTGACATATGTTATCTAATAAACHATCGAAGCAGCA 2160
Qy      2213  GAGCGGATTAACAGTGAAATACGTTGATCTTAATGCGCAAAACACATCTGCTCCATCCGAAACA 2272
Db      2161  GAGCGGATTAACAGTGAAATACGTTGATCTTAATGCGCAAAACACATCTGCTCCATCCGAAACA 2220
Qy      2273  TTAACCGGAACGTTGCGGACACATATAAAGCACTTAAAGCAACCAATACGAGGCTACACA 2332
Db      2221  TTAACCGGAACGTTGCGGACACATATAAAGCACTTAAAGCAACCAATACGAGGCTACACA 2280
Qy      2333  TTATCCGCGCAACCAACCAATCGACTGCGACAAATTCACAAAGTAGCGCAACAACTGTCAC 2392
Db      2281  TTATCCGCGCAACCAACCAATCGACTGCGACAAATTCACAAAGTAGCGCAACAACTGTCAC 2340
Qy      2393  TACATTTATAGGAACCAACCAACCAATCGACTGCGACAAATTCACAAAGTAGCGCAAC 2452
Db      2341  TACATTTATAGGAACCAACCAACCAATCGACTGCGACAAATTCACAAAGTAGCGCAAC 2400
Qy      2453  ACCACCAACCAACCAACCAATCGACTGCGACAAATTCACAAAGTAGCGCAACCACTGTCAC 2512
Db      2401  ACCACCAACCAACCAACCAATCGACTGCGACAAATTCACAAAGTAGCGCAACCACTGTCAC 2460
Qy      2513  CTACAAACCAACCAACCAATCGACTGCGACAAATTCACAAAGTAGCGCAACCACTGTCAC 2572
Db      2461  CTACAAACCAACCAACCAATCGACTGCGACAAATTCACAAAGTAGCGCAACCACTGTCAC 2520
Qy      2573  TCCACAGCTCTAGTATCTGGAAGAAAGAAAGAAATAG 2608
Db      2521  TCCACAGCTCTAGTATCTGGAAGAAAGAAAGAAATAG 2556

RESULT 4
AX415879
LOCUS      2556 bp      DNA      linear      PAT 02-SEP-2002
DEFINITION Sequence 2870 from Patent WO0228891.
ACCESSION AX415879
VERSION    AX415879.1 GI:21448336
KEYWORDS   Listeria monocytogenes EGD-e
SOURCE     Listeria monocytogenes EGD-e
ORGANISM   Bacteria; Firmicutes; Bacillales; Listeriaceae; Listeria.

REFERENCE
1
AUTHORS    Kunet, P. and Glaser, P.
TITLE      Listeria inocua, genome and applications
JOURNAL    Patent: WO 0228891-A 2870 11-APR-2002;
INSTITUT PASTEUR (FR); CENTRE NATIONAL DE LA RECHERCHE
SCIENTIFIQUE (CNRS) (FR)
FEATURES
source     Location/Qualifiers
1. 2556
/organism="Listeria monocytogenes EGD-e"
/mol_type="unassigned DNA"
/db_xref="taxon:169963"

ORIGIN
Query Match 96.8%; Score 2556; DB 2; Length 2556;
Best Local Similarity 100.0%; Pred. No. 0;
Matches 2556; Conservative 0; Mismatches 0; Indels 0; Gaps 0;

Qy      53  TTGAATACTAATAATAGTAATTCCTCATTAGTTAGTTTAAACCATGGTTTCAACCGC 112
Db      1  TTGAATACTAATAATAGTAATTCCTCATTAGTTAGTTTAAACCATGGTTTCAACCGC 60

Qy      113  CTTTAACTTCGACGACGAAGATCATGTTATGATTAATACGACAGAAATCACTACTGAT 172
Db      61  CTTTAACTTCGACGACGAAGATCATGTTATGATTAATACGACAGAAATCACTACTGAT 120

Qy      173  AAGAAACAGCTCAACTCAACCACTATAAACAACACTCAACGCGCTCAACACAA 232

```

```

Db      121  AAAGAAACAGCTCAACTCAACCAATATAAATAAACAACACTCAACGCGGTCAACACAA 180
Qy      233  AGTTTAAACGACTGGTTCTCTGATGACAAATTTTGGCTTCAGAGGTAGCAGCAGCATTTGAA 292
Db      181  AGTTTAAACGACTGGTTCTCTGATGACAAATTTTGGCTTCAGAGGTAGCAGCAGCATTTGAA 240
Qy      293  ATGCAAGCAACTGACACTATCAGCGAAGAACAACTAGCTACTCTTAACAGTCTAGATTGC 352
Db      241  ATGCAAGCAACTGACACTATCAGCGAAGAACAACTAGCTACTCTTAACAGTCTAGATTGC 300
Qy      353  CATAAATTCATCCATTAACCGATATGACTGGTATTGAAAAATTAACCTGTTTAAACAAATTA 412
Db      301  CATAAATTCATCCATTAACCGATATGACTGGTATTGAAAAATTAACCTGTTTAAACAAATTA 360
Qy      413  ATTGCAAGTAAACAACTTACCACTTGTATCTTAGCGAACAACACTTAATTTAACTTAT 472
Db      361  ATTGCAAGTAAACAACTTACCACTTGTATCTTAGCGAACAACACTTAATTTAACTTAT 420
Qy      473  CTGCGCATGTGATTCAATTAACCTTACCACTTGTATCTTAGCGAACAACCTTACCAATTAAC 532
Db      421  CTGCGCATGTGATTCAATTAACCTTACCACTTGTATCTTAGCGAACAACCTTACCAATTAAC 480
Qy      533  TACTTAATTTGCGACACGAACTCACTCAAGGTTAGTGTAGTCAAAATCCACTGTTA 592
Db      481  TACTTAATTTGCGACACGAACTCACTCAAGGTTAGTGTAGTCAAAATCCACTGTTA 540
Qy      593  ACTTATTTAACTGCGCGCGCAACCACTTAAACCGAATAGTGTAGCGCAACAACTACAA 652
Db      541  ACTTATTTAACTGCGCGCGCAACCACTTAAACCGAATAGTGTAGCGCAACAACTACAA 600
Qy      653  TTAACCGAGCTAGACTGCGCATTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA 712
Db      601  TTAACCGAGCTAGACTGCGCATTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA 660
Qy      713  ACTCAATTAACCACTTACAGCTGAGCTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA 772
Db      661  ACTCAATTAACCACTTACAGCTGAGCTTTAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA 720
Qy      773  AATAAATACTCAACCGCTCAACCTGCGACACTAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATA 832
Db      721  AATAAATACTCAACCGCTCAACCTGCGACACTAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATA 780
Qy      833  CAAATAATTTCACTCACTTCTCTAGATTGCTCAAGTAACAAATTAACCAAAATAGATGTA 892
Db      781  CAAATAATTTCACTCACTTCTCTAGATTGCTCAAGTAACAAATTAACCAAAATAGATGTA 840
Qy      893  ACCCGCTTTACACAGTAAACATATTTTGAATGTAGGTAAATCTTTTAACTGAATAGAT 952
Db      841  ACCCGCTTTACACAGTAAACATATTTTGAATGTAGGTAAATCTTTTAACTGAATAGAT 900
Qy      953  GTATCTACGCTTTCAAAATTAACCTACACTACATTTGATATACAAACAGATTTATTAGAAATA 1012
Db      901  GTATCTACGCTTTCAAAATTAACCTACACTACATTTGATATACAAACAGATTTATTAGAAATA 960
Qy      1013  GACCTAAACACACACACAACTAATAATATATTTTCAAGCTGACAGGATGTAGAAATAAATA 1072
Db      961  GACCTAAACACACACACAACTAATAATATATTTTCAAGCTGACAGGATGTAGAAATAAATA 1020
Qy      1073  GAGCTTGTGTACGCTAATAATACCAATATATTTTATTTAGCTGCGAAGCGCTGCTGATA 1132
Db      1021  GAGCTTGTGTACGCTAATAATACCAATATATTTTATTTAGCTGCGAAGCGCTGCTGATA 1080
Qy      1133  ACAGAAATTTGGATCTTTTCAAAACCCCTAAATTTAGTCTTATTTGATTTAAATAATACTGAA 1192
Db      1081  ACAGAAATTTGGATCTTTTCAAAACCCCTAAATTTAGTCTTATTTGATTTAAATAATACTGAA 1140
Qy      1193  CTAAACGAATTAGAGGTTTCCGTAACCAACAGCTGAAAGTTTGTCTTGGTAAATGCG 1252
Db      1141  CTAAACGAATTAGAGGTTTCCGTAACCAACAGCTGAAAGTTTGTCTTGGTAAATGCG 1200
Qy      1253  CACATCCAAAGACTCTCTCTCTGTAGGTAAATAATTCCTGCTTAAACAAATAATTTGAGGCT 1312
Db      1201  CACATCCAAAGACTCTCTCTCTGTAGGTAAATAATTCCTGCTTAAACAAATAATTTGAGGCT 1260

```

1313 GAAGGCAAAACAAATCAGATGCTTAAGAAACCTTTAAACAAACAGAGCTTGAACCATTTGCA 1372
 1261 GAAGGCAAAACAAATCAGATGCTTAAGAAACCTTTAAACAAACAGAGCTTGAACCATTTGCA 1320
 1373 GTTAGCCCTGATTTATTAGATCAGTTTGGAAATCCGATGATTAATTAAGAACCGGGAGAGCGC 1432
 1321 GTTAGCCCTGATTTATTAGATCAGTTTGGAAATCCGATGATTAATTAAGAACCGGGAGAGCGC 1380
 1433 GTGTGTACGACCAAGCAAAATACAAATCTTGGAAATCTCAGACACAGACAAATCCA 1492
 1381 GTGTGTACGACCAAGCAAAATACAAATCTTGGAAATCTCAGACACAGACAAATCCA 1440
 1493 GCCGTAACTTATCTTCACTTCCGAAACGGAGCTATAGTAGGAACCGTAAACAACTCCA 1552
 1441 GCCGTAACTTATCTTCACTTCCGAAACGGAGCTATAGTAGGAACCGTAAACAACTCCA 1500
 1553 TTTCAGACCTTCAACCCATCAAGAGGAGAGAGTCAAGTACATTTACCTTTGATGACAAA 1612
 1501 TTTCAGACCTTCAACCCATCAAGAGGAGAGAGTCAAGTACATTTACCTTTGATGACAAA 1560
 1613 GGAGAAATTTGGCGATGATGAAGTTCTTAAGCGGTAATTTGGACGATCTCTTATATCTCT 1672
 1561 GGAGAAATTTGGCGATGATGAAGTTCTTAAGCGGTAATTTGGACGATCTCTTATATCTCT 1620
 1673 AGCGCAAGACATCCAGATTTACATTAACGACTACTCCAGATTAAGCGGTAATTTGGACG 1732
 1621 AGCGCAAGACATCCAGATTTACATTAACGACTACTCCAGATTAAGCGGTAATTTGGACG 1680
 1733 TTACCACTACTAGCCAGTCCGTAACGTAAGTACCTTACACTAAACCAATCGAGCGGTAAT 1792
 1681 TTACCACTACTAGCCAGTCCGTAAGTACCTTACACTAAACCAATCGAGCGGTAAT 1740
 1793 CCTGTACCGTTAAATTAAGTGAAGTACTGGAAGAGCTCTCTCCATCCGTAATTA 1852
 1741 CCTGTACCGTTAAATTAAGTGAAGTACTGGAAGAGCTCTCTCCATCCGTAATTA 1800
 1853 AACGGAATTTGGCGACATTTATAAGCGCACTGCGCAACCAATCGAGCGGTAATCACTAT 1912
 1801 AACGGAATTTGGCGACATTTATAAGCGCACTGCGCAACCAATCGAGCGGTAATCACTAT 1860
 1913 TCAGCGCAACCACTGAGTCACTGCAATTTACAGAGCGGCGCAACCGTCACTAT 1972
 1861 TCAGCGCAACCACTGAGTCACTGCAATTTACAGAGCGGCGCAACCGTCACTAT 1920
 1973 ATTTACACAAAAATCCAGCCCTCGAAAGAGGTTGTAGAAATTCATCTATTTGACGAA 2032
 1921 ATTTACACAAAAATCCAGCCCTCGAAAGAGGTTGTAGAAATTCATCTATTTGACGAA 1980
 2033 GATTAATTAACCACTTAAGTCACTGCAATTTACAGAGCGGCGCAACCGTCACTAT 2092
 1981 GATTAATTAACCACTTAAGTCACTGCAATTTACAGAGCGGCGCAACCGTCACTAT 2040
 2093 ACTGAGCGCAAAATCTATCGAGGCTATACGTTTAACTACCACTGAGCGGTAATCGAACCGG 2152
 2041 ACTGAGCGCAAAATCTATCGAGGCTATACGTTTAACTACCACTGAGCGGTAATCGAACCGG 2100
 2153 ACTTTACGACAGCGGCAACCGTGAATGATGTTTAACTTAAACCAATCGAGCGGTAAT 2212
 2101 ACTTTACGACAGCGGCAACCGTGAATGATGTTTAACTTAAACCAATCGAGCGGTAAT 2160
 2213 GAGCGGTAATACAGTGAATTAAGTGAATGCTTAAGTGAATGCTTAAGTGAATGCTTAAG 2272
 2161 GAGCGGTAATACAGTGAATTAAGTGAATGCTTAAGTGAATGCTTAAGTGAATGCTTAAG 2220
 2273 TTAACCGGAACCTTGGCGACATATTAAGCACTGCGCAACCAATCGAGCGGTAAT 2332
 2221 TTAACCGGAACCTTGGCGACATATTAAGCACTGCGCAACCAATCGAGCGGTAAT 2280
 2333 TTATCCGCGCAACCACTGAGTGAATTTCAAGTAGGCGCAACCACTGTCAC 2392
 2281 TTATCCGCGCAACCACTGAGTGAATTTCAAGTAGGCGCAACCACTGTCAC 2340

2393 TACATTTATACGAAAAACCAACACAGATCAACCTTTTACCACTAAAAAACCCTACGAAC 2452
 2341 TACATTTATACGAAAAACCAACACAGATCAACCTTTTACCACTAAAAAACCCTACGAAC 2400
 2453 ACCACACCAACCAAGCCATCTAATTTAAAGCAACCGAGGTGAAGAAAGCTTCAGATACC 2512
 2401 ACCACACCAACCAAGCCATCTAATTTAAAGCAACCGAGGTGAAGAAAGCTTCAGATACC 2460
 2513 CTACCAAAAAACAGCGGATTCGCGACCACTGGAATCAGCTCTTCTGGGTTATTCCTATCA 2572
 2461 CTACCAAAAAACAGCGGATTCGCGACCACTGGAATCAGCTCTTCTGGGTTATTCCTATCA 2520
 2573 TCACACGCTCTAGTTATCTCGAAAAAGAAATATAG 2608
 2521 TCACACGCTCTAGTTATCTCGAAAAAGAAATATAG 2556

RESULT 5
 AE017262.28
 WPCOMMENT

Sequence split into 29 fragments LOCUS AE017262 Accession AE017262

Fragment Name	Begin	End
AE017262_00	1	110000
AE017262_01	100001	210000
AE017262_02	200001	310000
AE017262_03	300001	410000
AE017262_04	400001	510000
AE017262_05	500001	610000
AE017262_06	600001	710000
AE017262_07	700001	810000
AE017262_08	800001	910000
AE017262_09	900001	1010000
AE017262_10	1000001	1110000
AE017262_11	1100001	1210000
AE017262_12	1200001	1310000
AE017262_13	1300001	1410000
AE017262_14	1400001	1510000
AE017262_15	1500001	1610000
AE017262_16	1600001	1710000
AE017262_17	1700001	1810000
AE017262_18	1800001	1910000
AE017262_19	1900001	2010000
AE017262_20	2000001	2110000
AE017262_21	2100001	2210000
AE017262_22	2200001	2310000
AE017262_23	2300001	2410000
AE017262_24	2400001	2510000
AE017262_25	2500001	2610000
AE017262_26	2600001	2710000
AE017262_27	2700001	2810000
AE017262_28	2800001	2905187

Continuation (29 of 29) of AE017262 from base 2800001 (AE017262 *Listeria monocytogenes* B)

Query Match 83.2%; Score 2197.6; DB 15; Length 105187;
 Best Local Similarity 88.1%; Pred. No. 0;
 Matches 2511; Conservative 0; Mismatches 114; Indels 225; Gaps 2;

Qy 1 TAAACCGCGGTATTAATTAAGTATATAGAGCAAGTAAGGAGTGCAGCAATTTGAAGAAC 60
 Db 67562 TAAACCGCGGTATTAATTAAGTATATAGAGCAAGTAAGGAGTGCAGCAATTTGAAGAAC 67621

Qy 61 TACTAAATAGTAAATGCTCATTTAGTTTAAACCATGTTTCAACCCGCTTTTAAAC 120
 Db 67622 TTCTAAATTAATTAAGTATATAGTTTAAACCCCTGGTTTCAACCCCAATTTTAAAC 67681

Qy 121 ATTCCGACCAACGATGATGTTTATGATTAATACGACAGAAATCACTACTGATAAGAAAC 180
 Db 67682 ATTCCGACCAACGATGATGTTTATGATTAATACGACAGAAATCACTACTGATAAGAAAT 67741

Qy 181 AGCTCAACTCAACCACTATTAATAAACAACACACTCAAGCCGCTCAACACAAAGTTTAA 240
 Db 67742 AGCTCCCACTCAACCACTATTAATAAACAACACACTCAAGCCGCTCAACACAAAGTTTAA 67801

Pls. mail up office action 6-10-07